

***LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA
PENGKODE GEN SITOKROM B (cyt b)
BABI (*Sus scrofa*)***

SKRIPSI



OLEH:

DITA UMI ROSIDAH LARASATI

H71214008

**PROGRAM STUDI BIOLOGI
JURUSAN SAINS
FAKULTAS SAINS DAN TEKNOLOGI
UNIVERSITAS ISLAM NEGERI SUNAN AMPEL**

**SURABAYA
2018**

***LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA
PENGKODE GEN SITOKROM B (cyt b)
BABI (*Sus scrofa*)***

**Di ajukan untuk memenuhi syarat
Mendapatkan gelar Sarjana Sains (S.Si)**



OLEH:

DITA UMI ROSIDAH LARASATI

H71214008

**PROGRAM STUDI BIOLOGI
JURUSAN SAINS
FAKULTAS SAINS DAN TEKNOLOGI
UNIVERSITAS ISLAM NEGERI SUNAN AMPEL**

**SURABAYA
2018**

PERNYATAAN KEASLIAN

Yang bertandatangan di bawah ini:

Nama : Dita Umi Rosidah Larasati

NIM : H71214008

Program Studi : Biologi

Angkatan : 2014

Menyatakan bahwa saya tidak melakukan plagiat dalam penulisan skripsi saya yang berjudul :

LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA PENGKODE GEN SITOKROM B (cyt b) BABI (*Sus scrofa*).

Apabila suatu saat nanti saya terbukti melakukan tindakan plagiat, maka saya akan menerima sanksi yang telah ditetapkan.

Demikian pernyataan keaslian ini saya buat dengan sebenar-benarnya.

Surabaya, 2. agustus 2018



Dita Umi Rosidah L.

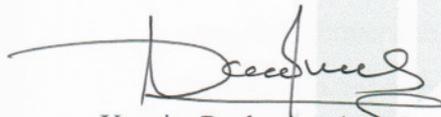
**LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA
PENGKODE GEN SITOKROM B (cyt b)
BABI (*Sus scrofa*)**

Disusun oleh:
Dita Umi Rosidah Larasati
H71214008

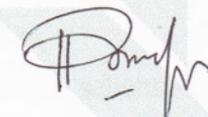
Telah Dipertahankan Di Depan Dewan Penguji
Pada Tanggal 17 Juli 2018
Dan Dinyatakan Telah Memenuhi Syarat
Untuk Memperoleh Gelar
Sarjana Sains (S.Si)

Susunan Dewan Penguji

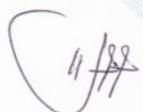
Surabaya, 31 Juli 2018
Pembimbing (Penguji) I


Yuanita Rachmawati, M.Sc.
NUP. 201603302

Surabaya, 30 Juli 2018
Pembimbing (Penguji) II


Irul Hidayati, M.Kes.
NIP. 198102282014032001

Surabaya, 30 Juli 2018
Penguji III


Estri Kusumawati, M.Kes.
NIP. 198708042014032003

Surabaya, 2 Agustus 2018
Penguji IV


Dr. dr. Hj. Siti Nur Asiyah, M. Ag.
NIP. 197209271996032002

Mengetahui
Dekan Fakultas Sains dan Teknologi
UIN Sunan Ampel Surabaya




Dr. Eni Purwati, M. Ag.
NIP. 196512211990022001

PERSETUJUAN PEMBIMBING

Setelah memeriksa dan memberikan arahan terhadap skripsi yang ditulis oleh:

Nama :Dita Umi Rosidah Larasati

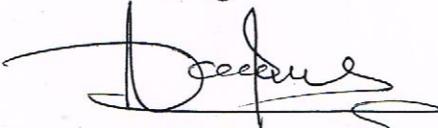
NIM : H71214008

Program Studi : Biologi

yang berjudul: "***LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA PENGKODE GEN SITOKROM B (Cytb) BABI (Sus scrofa)***", tim pembimbing berpendapat bahwa skripsi tersebut dapat diajukan untuk disidangkan.

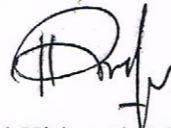
Surabaya, 5 juli 2017

Pembimbing I



Yuanita Rachmawati, M.Sc.
NUP. 201603302

Pembimbing II



Irul Hidayati, M.kes.
NIP.198102282014032001



KEMENTERIAN AGAMA
UNIVERSITAS ISLAM NEGERI SUNAN AMPEL SURABAYA
PERPUSTAKAAN

Jl. Jend. A. Yani 117 Surabaya 60237 Telp. 031-8431972 Fax.031-8413300
E-Mail: perpus@uinsby.ac.id

LEMBAR PERNYATAAN PERSETUJUAN PUBLIKASI
KARYA ILMIAH UNTUK KEPENTINGAN AKADEMIS

Sebagai sivitas akademika UIN Sunan Ampel Surabaya, yang bertanda tangan di bawah ini, saya:

Nama : DITA UMI ROSIDAH LARASATI
NIM : H71214008
Fakultas/Jurusan : SAINS DAN TEKNOLOGI / BIOLOGI
E-mail address : ditameyme@gmail.com

Demi pengembangan ilmu pengetahuan, menyetujui untuk memberikan kepada Perpustakaan UIN Sunan Ampel Surabaya, Hak Bebas Royalti Non-Eksklusif atas karya ilmiah :

Sekripsi Tesis Desertasi Lain-lain (.....)
yang berjudul :

LIMIT OF DETECTION (LOD) FRAGMENT DNA PENGKODE GEN SITOKROM B

(cyt b) BABI (Sus scrofa)

beserta perangkat yang diperlukan (bila ada). Dengan Hak Bebas Royalti Non-Eksklusif ini Perpustakaan UIN Sunan Ampel Surabaya berhak menyimpan, mengalih-media/format-kan, mengelolanya dalam bentuk pangkalan data (database), mendistribusikannya, dan menampilkan/mempublikasikannya di Internet atau media lain secara *fulltext* untuk kepentingan akademis tanpa perlu meminta ijin dari saya selama tetap mencantumkan nama saya sebagai penulis/pencipta dan atau penerbit yang bersangkutan.

Saya bersedia untuk menanggung secara pribadi, tanpa melibatkan pihak Perpustakaan UIN Sunan Ampel Surabaya, segala bentuk tuntutan hukum yang timbul atas pelanggaran Hak Cipta dalam karya ilmiah saya ini.

Demikian pernyataan ini yang saya buat dengan sebenarnya.

Surabaya, 1 Agustus 2018

Penulis



(DITA UMI ROSIDAH L.)

di Pasar Center Wonokromo atau Darmo Trade Center (DTC) Surabaya, Jawa Timur, pedagang daging sapi terancam merugi karena mereka khawatir konsumen tak lagi berminat membeli daging sapi (Amaluddin, 2015). Di Kota Lubuklinggau Sumatera Selatan, polisi menangkap tersangka yang diketahui mengoplos daging sapi dengan daging babi (Siregar, 2017). Di wilayah Citeureup, Bogor. Polisi mengamankan tujuh pelaku dalam penggerebakan sebuah kios yang dijadikan sebagai tempat pembuatan bakso oplosan berbahan daging celeng atau babi (Bempah, 2017). Hal tersebut meresahkan masyarakat mengingat sebagian besar masyarakat Indonesia adalah muslim, dan membuat masyarakat untuk lebih berhati-hati dalam membeli makanan.

Berdasarkan fakta di atas, UIN Sunan Ampel Surabaya sebagai Lembaga Pendidikan berbasis agama Islam seyogyanya dapat memberikan kontribusi nyata sebagai tindakan yang preventif. Dengan mengintegrasikan ilmu pengetahuan secara ilmiah dan memiliki nilai keislaman, yaitu dengan didirikannya halal center pengujian makanan berbasis molekular. Menggunakan teknologi biologi molekular yang terus mengalami perkembangan dan kemajuan yang pesat. LOD dapat menjadi dasar penentuan dalam melakukan deteksi sampel pada makanan yang diduga mengandung gen babi untuk pengujian kehalalan. Secara umum penggunaan teknik molekular untuk tujuan identifikasi suatu organisme mempunyai keunggulan yaitu lebih akurat dan lebih cepat. Sedangkan identifikasi menggunakan morfologi memiliki keterbatasan yaitu mudah terpengaruh oleh kondisi lingkungan (Meng *et al.*, 2011).

Banyak metode analisa yang telah dikembangkan dan mendapatkan hasil yang cepat dan otentik, salah satunya adalah metode berbasis DNA. Metode analisa dengan menggunakan DNA memiliki beberapa keuntungan, yaitu DNA bisa ditemukan pada semua tipe sel pada suatu individu dengan informasi genetik yang identik. DNA mitokondria (mtDNA) berperan pada studi keanekaragaman genetika dan populasi pada hewan. mtDNA dapat digunakan sebagai penanda genetika karena ukurannya relatif kecil. DNA adalah molekul yang stabil dalam proses ekstraksi, dan analisa DNA bisa dikerjakan dari beberapa tipe sampel yang berbeda (Jain, 2004).

Polymerase Chain Reaction (PCR) adalah metode berbasis DNA yang paling umum digunakan untuk mengidentifikasi pemalsuan sumber hewan pada suatu produk makanan. *Polymerase Chain Reaction* (PCR) adalah teknik pilihan yang digunakan untuk mengidentifikasi beberapa jenis ternak (Cespedes *et al.*, 1999). Metode PCR merupakan teknik yang dapat digunakan dalam mengidentifikasi kontaminasi babi (Farouk *et al.*, 2006).

Gen-gen yang paling sering digunakan sebagai penanda jenis hewan atau daging diantaranya adalah sitokrom b (*cyt b*), 12S dan 16S subunit ribosom RNA *Displacement Loop* (D-loop). Sitokrom b (*cyt b*) telah digunakan beberapa peneliti untuk membedakan bahan yang berasal dari jenis hewan yang berbeda, pada *cyt b* terdapat variasi mutan yang menyebabkan gen ini banyak digunakan sebagai penanda untuk mengelompokkan jenis hewan. Gen *cyt b* memiliki kekhasan yaitu adanya daerah yang hampir sama untuk semua jenis hewan.

LOD (*limit of detection*) adalah jumlah konsentrasi analit terendah di mana deteksi dapat dilakukan. Deteksi produk-produk yang tercemar babi harus diawali dengan optimasi penentuan konsentrasi batas terendah DNA babi yang dapat terdeteksi sesuai dengan spesifikasi laboratorium. Penelitian ini adalah untuk mengetahui konsentrasi terendah yang dapat mendeteksi fragmen DNA pengkode gen sitokrom b (*cyt b*) pada babi menggunakan PCR (*Polymerase Chain Reaction*). Sebagai upaya perlindungan konsumen dan pelaksanaan pelabelan pangan, maka metode deteksi dan identifikasi jenis daging dan produk olahan makanan terus dikembangkan. Teknik amplifikasi DNA spesifik untuk setiap jenis hewan pada keamanan dan kehalalan pangan dapat digunakan untuk verifikasi, sertifikasi (pengesahan), maupun untuk monitoring kebanyakan protein hewani dan produk-produk yang aman dan halal secara efisien dan efektif.

Berdasarkan latar belakang tersebut diharapkan penelitian ini dapat menjadi dasar penentuan dalam melakukan deteksi sampel yang diduga mengandung gen babi untuk diketahui konsentrasi terendah yang diperlukan sehingga dapat terdeteksi supaya hasil yang diperoleh lebih relatif dan akurat.

B. Rumusan Masalah

Berapakah konsentrasi minimum yang diperlukan untuk mendeteksi fragmen DNA pengkode gen sitokrom b (*cyt b*) pada babi dengan menggunakan PCR (*Polymerase Chain Reaction*)?

sperma dilepaskan sehingga hampir tidak ada (hanya sedikit) mtDNA yang masuk ke dalam sel telur. Hal ini berarti sumbangan paternal (dari ayah hanya berjumlah 100 mitokondria. Dalam proses pertumbuhan sel, jumlah mtDNA secara paternal semakin berkurang, jika dibandingkan dengan sumbangan secara maternal (dari ibu) yaitu 100.000. Sehingga dapat dianggap tidak terjadi rekombinasi dan dapat dikatakan bahwa mtDNA bersifat haploid, diturunkan dari ibu ke seluruh keturunannya (Cann *et al.*, 1987; Giles *et al.*, 1980; Wallace, 1997). Beberapa alasan penggunaan mtDNA sebagai penanda dalam studi keragaman genetik dan studi Biologi populasi pada hewan yaitu (Solihin, 1994) :

1. DNA mitokondria mempunyai jumlah salinan yang tinggi. memanfaatkan DNA mitokondria sebagai target akan meningkatkan kesempatan untuk mendapatkan hasil DNA yang cukup untuk keperluan analisis genom
2. Ukuran DNA mitokondria relatif kecil (14-39 kb) oleh karena itu bisa dipelajari sebagai satu kesatuan yang utuh.
3. Bagian-bagian dari genom mitokondria berevolusi dengan kecepatan yang berbeda. Tingkat evolusi dari suatu bagian DNA merupakan faktor penting gen-gen yang terkonservasi dengan baik dapat dijadikan sebagai dasar pencarian kesamaan asal-usul, sedangkan bagian yang berubah cepat digunakan untuk mengetahui seberapa cepat divergensi dalam spesies tersebut terjadi.
4. Genom mitokondria berukuran kecil karena mtDNA hewan tidak memiliki intron atau pun spacer yang antar gennya berukuran besar.

5. Penyusunan mtDNA sangat polimorf, baik untuk intrapopulasi maupun intraspecies.

D. Isolasi DNA

Secara umum, metode yang saat ini digunakan meliputi, penghancuran sel dan jaringan, penghilangan protein dan RNA (purifikasi), dan presipitasi DNA (Muladno, 2010). Kini terdapat pengembangan teknologi baru untuk pengekstraksian DNA yang mudah dan lebih cepat dari sebelumnya dengan menggunakan mesin yang terdapat reagen kit di dalamnya, Dengan cara ini pemurnian DNA dapat dilakukan secara otomatis, singkat dan efisien. Instrumen ini dapat memproses sampai dengan 16 sampel dalam 30-40 menit. Dapat dilakukan pada sampel cair, maupun padat, seperti darah, sel dan sampel jaringan. Mesin purifikasi DNA ini memurnikan sampel dengan bantuan partikel-partikel paramagnetic (PMPs) instrumen ini dilengkapi dengan *cartridge* yang berisi *lysis buffer*, *magnestilr pmps*, *wash buffer* dan elusi dengan *elution buffer* menggunakan bantuan *magnestilr pmps* (Promega, 2010). Hasil DNA yang telah dimurnikan dapat langsung di aplikasikan pada proses retriaksi oleh enzim endonuclease, PCR, di elektroforesis gel agarosa.

E. Polymerase Chain Reaction (PCR)

PCR merupakan alat yang digunakan untuk menggandakan molekul DNA pada target tertentu, yaitu dengan cara mensintesa molekul DNA baru yang berkomplemen dengan molekul DNA tersebut dengan enzim polimerase dan

oligonukleotida pendek sebagai primer. Metode ini berjalan enzimatik melalui mekanisme perubahan suhu (Buzdin & Lukyanov, 2007).

Target PCR yaitu asam nukleat (DNA) untai ganda yang diekstraksi dari berbagai macam sel dan terdenaturasi menjadi asam nukleat beruntai tunggal. Komponen proses reaksi PCR terdiri atas pasangan primer yang berupa oligonukleotida spesifik untuk target gen yang dipilih, enzim (umumnya *Taq polymerase*, enzim *thermostable* dan *thermoactive* yang berasal dari *Thermus aquaticus*) dan *trifosfat deoxynucleoside* (dNTP) digunakan untuk mengamplifikasi target gen secara eksponensial dengan hasil replikasi ganda dari target awal. Reaksi ini dilakukan pada mesin pemanas yang diprogram secara otomatis dapat mengatur suhu beserta siklusnya yang disebut *thermocycler*. Mesin tersebut menyediakan kondisi termal yang diperlukan untuk proses amplifikasi (Nollet & Toldra 2011).

Proses yang terjadi pada mesin PCR meliputi tiga tahap utama yaitu denaturasi (pemisahan untai ganda DNA), *annealing* (penempelan primer) dan ekstensi (pemanjangan primer). Proses dimulai dari proses denaturasi, kemudian penempelan dan ekstensi yang mana dalam satu proses tersebut disebut satu siklus. Produk PCR divisualisasikan dengan menggunakan proses elektroforesis dan digunakan untuk analisis lebih lanjut (Weissensteiner *et al.* 2004). Produk PCR dipisahkan dengan elektroforesis gel yang diwarnai dengan bromida dan divisualisasikan menggunakan sinar ultraviolet (Nollet & Toldrá 2011).

1. Komponen PCR

Template DNA, sepasang primer oligonukleotida, DNA *polymerase*, doksinnukleotida trifosfat (Dntp), dan larutan *buffer* merupakan beberapa komponen penting yang diperlukan dalam reaksi PCR (Yusuf, 2010; Muladno, 2010; Gaffar, 2007; Sulistyaningsih, 2007)

a. *Template* DNA

Template DNA merupakan molekul DNA untai ganda yang mengandung *sequen* target yang akan di amplifikasi. Ukuran DNA bukan faktor utama untuk keberhasilan PCR, karena berapapun panjang untai DNA bila DNA tidak mengandung *sequen* yang diinginkan maka proses PCR tidak akan berhasil. Sebaliknya bila ukuran DNA pendek tetapi mengandung *sequen* yang diinginkan maka proses PCR akan berhasil (Sulistyaningsih, 2007). Kemurnian dan kuantitas atau konsentrasi merupakan dua hal penting pada cetakan. Sebaiknya DNA cetakan yang digunakan berkisar antara 105-106 molekul. (Yusuf, 2010). Apabila konsentrasinya terlalu rendah primer tidak dapat menemukan target dan jika konsentrasi terlalu tinggi akan meningkatkan *mispriming*. Kemurnian *template* haruslah diperhatikan karena akan mempengaruhi hasil reaksi PCR (Sulistyaningsih, 2007).

b. Primer

Primer merupakan salah satu komponen yang menjadi tolak ukur keberhasilan PCR. Pasangan primer terdiri dari 2 oligonukleotida yang mengandung 18-28 nukleotida dan mempunyai 45-60% *GC content* yang

digunakan untuk mengawali sintesis rantai DNA (Yusuf, 2010). *Sequen* primer yang lebih pendek dapat memicu amplifikasi produk PCR yang spesifik. Ujung 3' primer penting dalam menentukan spesifisitas dan sensitivitas PCR. Ujung ini tidak boleh mempunyai 3 atau lebih basa G atau C, karena dapat menstabilisasi *annealing* primer, sehingga memungkinkan untuk menambahkan *sequen* tertentu seperti sisi restriksi enzim, *start codon* ATG atau *sequen promoter*. Untuk merangsang urutan primer, perlu diketahui urutan nukleotida pada awal dan akhir DNA target. DNA *synthesizer* merupakan alat yang digunakan untuk mensintesis Primer Oligonukliotida (Gaffar, 2007).

c. DNA Polymerase

DNA *polymerase* merupakan enzim yang mengkatalis polimerisasi DNA. Pada awalnya, PCR dilakukan dengan menggunakan Klenow fragment DNA. Polimerase 1 selama reaksi polimerisasinya. Pada proses denaturasi enzim ini tidak aktif secara termal, sehingga peneliti harus menambahkan enzim disetiap siklusnya. Seiring dengan perkembangannya, kini digunakan digunakan enzim *TaqDNA polymerase* yang memiliki keaktifan pada suhu tinggi sehingga tidak perlu menambahkan enzim pada setiap siklus dan proses PCR dapat dilakukan dalam satu mesin (Gaffar, 2007).

d. Deoxynucleotida Triphosphate (dNTP)

Deoxynucleotida Triphosphate merupakan bahan utama untuk sintesis DNA dalam proses PCR yang terdiri atas dATP (deoksiadenosin

infosfat), dGTP (deoksiguanosin trifosfat), dCTP (deoksitidin trifosfat) dan dTTP (deoksitimidin trifosfat). Konsentrasi dNTP masing-masing sebesar 20-200 μM dapat menghasilkan keseimbangan optimal antara hasil, spesifitas dan ketetapan PCR. Konsentrasi masing-masing dNTP haruslah seimbang untuk meminimalisir kesalahan penggabungan. *Deoxynucleotide Triphosphate* akan menurunkan Mg^{2+} bebas sehingga mempengaruhi aktifitas polimerase dan menurunkan *annealing* primer. Konsentrasi dNTP yang rendah dapat mengurangi terjadinya *mispriming* pada daerah non target dan menurunkan terjadinya kemungkinan perpanjangan nukleotida yang salah. Oleh karena itu spesifitas dan ketetapan PCR meningkat pada konsentrasi dNTP yang lebih rendah (Sulistyaningsih, 2007).

e. Larutan *Buffer*

Larutan *buffer* berfungsi untuk menstabilkan PH agar medium, karena reaksi PCR akan berlangsung pada PH tertentu, oleh karena itu diperlukan larutan *buffer*. *Buffer* yang di gunakan pada reaksi PCR mengandung 10 mM Tris-HCl pH 8,3, 50 Mm KCl dan 1,5 mM MgCl_2 . Optimalisasi konsentrasi ion Mg^{2+} merupakan hal yang penting (Sulistyaningsih, 2007).

f. Kofaktor ion Metal

Magnesium Klorida merupakan kofaktor esensial untuk DNA *Polymerase* yang digunakan di dalam PCR dan konsentrasinya harus di optimasi untuk setiap sistem primer *template*. Konsentrasi ini

mempengaruhi beberapa hal pada *annealing* primer, suhu pemisahan untai *template* dan produk PCR, spesifikasi produk, pembentukan primer-dimer serta aktivitas dan ketetapan enzim *Taq Polymerase*. Konsentrasi ion magnesium harus melebihi total konsentrasi dNTP. Biasanya untuk memulai proses optimasi, sebanyak 1,5 mM MgCl₂ di tambahkan ke dalam PCR yang di dalamnya terdapat 0,8 mM dNTP sehingga terdapat sekitar 0,7 mM magnesium bebas untuk DNA *polymerase*. Secara umum, ion magnesium harus di variasikan dalam seri konsentrasi dari 1,5 – 4,0 mM (Kolmodin & Birch, 2002).

F. Elektroforesis

Elektroforesis adalah suatu cara analisis kimiawi yang didasarkan pada pergerakan molekul-molekul protein bermuatan di dalam medan listrik (titik isoelektrik). Pergerakan molekul dalam medan listrik dipengaruhi oleh bentuk, ukuran, besar muatan dan sifat kimia dari molekul (Titrawani, 1996). Pemisahan dilakukan berdasarkan perbedaan ukuran berat molekul dan muatan listrik yang dikandung oleh makromolekul tersebut. Bila arus listrik dialirkan pada suatu medium penyangga yang telah berisi protein plasma maka komponen-komponen protein tersebut akan mulai bermigrasi. Menurut titrawani (1996) teknik elektroforesis dapat dibedakan menjadi dua cara, yaitu : elektroforesis larutan (*moving boundary electrophoresis*) dan elektroforesis daerah (*zone electrophoresis*). Pada teknik elektroforesis larutan, larutan penyangga yang mengandung makro-molekul ditempatkan dalam suatu

kamar tertutup dan dialiri arus listrik. Kecepatan migrasi dari makromolekul diukur dengan jalan melihat terjadinya pemisahan dari molekul (terlihat seperti pita) di dalam pelarut. Sedangkan teknik elektroforesis daerah adalah menggunakan suatu bahan padat yang berfungsi sebagai media penunjang yang berisi (diberi) larutan penyangga. Media penunjang yang biasa dipakai adalah gel agarose, gel pati, gel poliakrilamida dan kertas selulose poliasetat. Adapun menurut Sargent & George (1975) elektroforesis daerah disebut sebagai elektroforesis gel dengan dua buah model yaitu horizontal dan vertikal. Metode yang biasa digunakan adalah model horizontal, karena mempunyai beberapa keuntungan yaitu peralatan yang digunakan sangat sederhana, relatif murah dan pemisahan untuk enzim tertentu dapat menghasilkan pemisahan yang lebih baik.

4. Elektroforesis

Elektroforesis diawali dengan pembuatan gel agarosa dengan konsentrasi 2% sebagai berikut ;

- a. 2 gram agarose dan 100 ml larutan *buffer* (0,5 x TAE) dipanaskan selama 1 menit sampai agarosa menjadi larut dan larutan berwarna bening.
- b. Larutan agarosa dibiarkan agak dingin sambil diaduk dengan spatula.
- c. Kemudian ditambahkan 10 μ l *diamond safe* dan dihomogenkan
- d. Lalu di tuang ke dalam *gel caster* yang telah disisipkan *comb*.
- e. Selanjutnya agarosa didiamkan hingga membentuk gel padat.
- f. Setelah terbentuk gel padat, gel di letakkan pada *chamber* elektroforesis dengan posisi sumur pada muatan negatif.
- g. Kemudian *buffer* dituang hingga gel terendam dalam *chamber* elektroforesis namun tidak melebihi garis batas maksimum.
- h. Pencampuran sampel yang akan di elektroforesis dilakukan dengan menggunakan parafilm.
- i. DNA sampel yang digunakan sebanyak 5 μ l
- j. Kemudian *marker* DNA diletakkan di sumur paling kiri, selanjutnya diikuti DNA sampel.
- k. *Chamber* elektroforesis ditutup rapat. Alat elektroforesis dinyalakan (diberi arus listrik) dengan tegangan 50 Volt selama 120 menit untuk DNA genom dan 20 menit untuk produk PCR.
- l. DNA akan bergerak dari muatan negatif menuju muatan positif.

Pada Isolasi DNA langkah pertama yang dilakukan yaitu menimbang masing-masing sampel sebanyak 50 mg, kemudian dimasukkan ke dalam mikrotube 1,5 ml. Sampel dihaluskan dengan cara digerus menggunakan spatula steril berukuran kecil, lalu ditambahkan 600 μ l *Nuclei Lysis Solution* dan dihomogenkan selama 10 detik. Larutan *Nuclei Lysis Solution* ini berfungsi untuk melisiskan sel (Sihotang, 2014), selain itu untuk menjaga struktur DNA selama proses lisis dan pemurnian (Iqbal *et al.*, 2016), lalu di inkubasi pada suhu 65°C selama 30 menit, tujuan inkubasi ini untuk menonaktifkan enzim yang dapat menghambat proses isolasi DNA, serta untuk mempercepat pemecahan selnya sehingga memaksimalkan keluarnya DNA dari sel dan mendegradasi protein dari dinding sel secara optimal (Langga *et al.*, 2012). Kemudian ditambahkan 3 μ l RNase ke dalam sampel yang telah di beri *Nuclei Lysis Solution*, fungsi RNase untuk mendegradasi RNA kontaminan. RNase merupakan endoribonuklease yang mengkatalis degradasi C dan U pada untai tunggal RNA dengan pemotongan rantai 3'-5'-fosfodiester ribosa dan nukleotida pada pirimidin (Raines, 1998; Moussaoui *et a.l.*, 2007). Kemudian dihomogenkan, dan diinkubasi pada suhu 37°C selama 30 menit, lalu didinginkan hingga suhu ruangan. Sampel pada suhu ruangan tersebut ditambahkan 200 μ l *Protein Precipitation Solution* yang berfungsi untuk pengendapan protein dan garam mineral yang masih ada didalam DNA, sehingga DNA yang terisolasi tidak bercampur dengan debris. Lalu di vortex kembali dan di dinginkan pada *frezeer* selama 5 menit.

Diperlukan jumlah dan kemurnian DNA tertentu untuk kinerja optimal sampel yang digunakan. Prinsip spektrofotometer terhadap pengukuran jumlah DNA berdasarkan pada serapan iradiasi sinar ultraviolet oleh nukleotida dan protein dalam larutan. Untuk menentukan konsentrasi rata-rata dan kemurnian DNA pada sampel umumnya menggunakan analisis asam nukleat yang menyerap sinar ultraviolet dengan pola tertentu. Sinar ultraviolet dan fotodetektor cahaya menembus sampel pada panjang gelombang 260 nm dan 280 nm, semakin besar cahaya yang diserap sampel, maka semakin tinggi konsentrasi asam nukleat dalam sampel (Sambrook & Russel, 2001). Kemurnian isolat DNA dapat dilihat dari perbandingan absorbansi A260/A280. Dari Tabel 5.1 nilai rata-rata kemurnian DNA yang diperoleh dari penelitian ini berkisar antara 1,8–1,9 kecuali sampel usus memiliki konsentrasi terendah dibandingkan konsentrasi yang lain yaitu sebesar 1,777 yang berarti masih terdapat kontaminasi protein dan bahan organik. Dalam Tenriulo (2001), nilai rasio ($< 1,8$) menandakan bahwa terdapat kontaminasi protein dan bahan organik lainnya, dan jika nilai rasio tinggi ($> 2,0$) menandakan adanya kontaminasi fenol. Konsentrasi sampel pada penelitian ini memiliki kemurnian yang tinggi. Molekul DNA dikatakan murni jika nilai rasio perbandingan absorbansi A260/A280 berkisar antara 1,8-2,0. DNA dengan kisaran angka tersebut telah memenuhi persyaratan yang dibutuhkan dalam analisis molekuler (Sambrook & Russel, 2001).

Pada penelitian ini nilai konsentrasi yang didapatkan bervariasi dengan hasil terendah yaitu darah (*blood*) sebesar 0,611 µg/ml. Hal ini dikarenakan bahwa darah (*blood*) memiliki prosedur yang berbeda jika menggunakan metode kit ekstraksi DNA *Wizard® Genomic DNA Purification Kit*, Promega. Sedangkan pada penelitian ini darah (*blood*) di ekstraksi menggunakan metode yang disamakan dengan sampel jaringan lainnya. Hal ini sengaja penulis lakukan supaya tidak membedakan metode yang dilakukan pada masing-masing sampel.

Setelah mengetahui konsentrasi isolat DNA yang diperoleh langkah selanjutnya untuk mengetahui *Limit of Detection* adalah dengan mengencerkan konsentrasi isolat DNA tersebut menjadi beberapa serial berikut ; 100 ng/ml, 10 ng/ml, 1 ng/ml, 100 pg/ml, 10 pg/ml, 1 pg/ml, 10^{-1} pg/ml, 10^{-2} pg/ml, 10^{-3} pg/ml, 10^{-4} pg/ml, 10^{-5} pg/ml, dan 10^{-6} pg/ml. Sebagai target dalam pengembangan uji spesifik babi untuk menentukan batas deteksi dari pengujian yang akan dilakukan. Pengenceran dilakukan dengan menambahkan *TE buffer*. Kemudian di amplifikasi menggunakan PCR.

B. Amplifikasi Menggunakan *Polymerase Chain Reaction* (PCR)

Sebelum melakukan amplifikasi menggunakan PCR, salah satu parameter penting untuk keberhasilan metode ini yaitu mengetahui desain primer yang spesifik. Hal ini sangat penting dalam pengujian makanan halal dengan metode yang berbasis PCR. Suatu makanan dikatakan halal jika tidak dicampuri oleh bahan makanan lain yang haram, salah satunya babi

berapapun besar cemarannya. Oleh karena itu, dalam mendeteksi makanan yang tercemar gen babi diperlukan primer yang spesifik dan sensitif yang mampu mendeteksi sampai dengan konsentrasi yang sangat kecil. DNA mitokondria di amplifikasi dengan menggunakan primer spesifik untuk spesies babi (Kesmen *et al.*, 2009).

Dalam penelitian ini, primer Pork F / Pork R yang digunakan untuk memperkuat fragmen internal (149 bp) gen sitokrom b mitokondria (*cyt b*). Dalam penelitian Dooley (2004), primer yang dipilih tidak menunjukkan dimerisasi primer dan spesifitas tinggi, ditunjukkan oleh pencarian kesamaan urutan pada database NCBI dan tidak ada reaktivitas silang dengan DNA dari spesies lain. Gen *cyt b* ini dapat digunakan sebagai penanda material yang berasal dari jenis hewan yang berbeda (Primasari, 2011). Setelah menentukan primer yang sesuai maka melakukan proses optimasi suhu *annealing*. Karena apabila suhu *annealing* terlalu rendah maka akan terjadi *mispriming* dan apabila suhu *annealing* terlalu tinggi DNA tidak teramplifikasi, selain itu optimasi suhu *annealing* dapat meningkatkan spesifitas produk PCR (Dale & Malcom, 2002; Prezioso & Jahns, 2013). Penentuan suhu *annealing* dapat ditentukan dengan menghitung *melting temperatur*. *Melting Temperature* (T_m) merupakan temperatur yang diperlukan oleh separuh dupleks mengalami disosiasi atau lepas ikatan. Primer dengan T_m berkisar 52-58°C sangat ideal, sedangkan T_m di atas 65°C akan mengurangi efektivitas *annealing* sehingga proses amplifikasi DNA kurang berjalan baik. Berdasarkan T_m primer yang

digunakan *forwards* 58,8°C dan *reverse* 58,1°C, setelah dilakukan beberapa percobaan untuk penentuan *annealing*, optimasi suhu yang sesuai sebesar 61°C untuk amplifikasi PCR. Setelah ditentukan suhu *annealing* dan desain primer yang spesifik selanjutnya melakukan amplifikasi pada mesin *thermocycler* Labnet MultiGene Optimax.

Komponen PCR dibuat dalam volume total 25 µl dengan komposisi Sampel DNA sebanyak 2,5 µl, GoTaq® Green Mater mix 12,5 µl, primer *Forward* dan *Reverse* sebanyak @1 µl, nuclease Free Water 8 µl kemudian dihomogenkan. Proses yang terjadi dalam mesin PCR meliputi tiga tahap utama yaitu denaturasi (pemisahan untai ganda DNA), *annealing* (penempelan primer) dan ekstensi (pemanjangan primer). Proses yang dimulai dari denaturasi, penempelan dan ekstensi disebut sebagai satu siklus. Produk PCR dapat langsung divisualisasikan melalui proses elektroforesis dan digunakan untuk analisis lebih lanjut (Weissensteiner *et al.* 2004).

C. Elektroforesis

Elektroforesis adalah teknik pemisahan komponen/molekul bermuatan berdasarkan perbedaan tingkat migrasinya dalam sebuah medan listrik (Westermeier, 2004). Kecepatan molekul yang bergerak pada medan listrik tergantung pada muatan, bentuk dan ukuran. Dengan demikian elektroforesis dapat digunakan untuk separasi makromolekul (seperti protein dan asam nukleat). Elektroforesis untuk makromolekul memerlukan matriks

Agarosa yang digunakan merupakan matriks penyangga yang dipakai untuk pemisahan protein dan asam nukleat (Hutahaean *et al*, 2014). Larutan agarosa dibiarkan agak dingin sambil diaduk dengan spatula. Kemudian ditambahkan 10 μ l *Diamond safe* dan dihomogenkan. *Diamond safe* berfungsi sebagai pewarna DNA agar ketika DNA divisualisasikan pita-pitanya berpendar sehingga dengan mudah diamati. Setelah itu buffer dituangkan hingga merendam gel agarose. Fungsi buffer untuk menjaga kesetimbangan pH saat migrasi fragmen DNA berlangsung, perubahan pH dapat mendenaturasi struktur DNA sehingga merubah elektromobilitas DNA (Hutahaean *et al.*, 2014). Loading dye kemudian ditambahkan sebanyak 1 μ l pada sampel. Loading dye ini, terdiri dari sebuah pewarna yaitu *bromophenol blue* yang berfungsi untuk visualisasi pergerakan DNA pada saat elektroforesis dicampurkan kedalam genom. Adanya gliserol didalam loading dye untuk meningkatkan densitas sampel dan memastikan bahwa DNA didalam ladder dan sampel membentuk lapisan dibawah sumur gel dan tidak menyebar. Fungsi lainnya buffer ini dapat juga membantu pergerakan sampel ke anoda (Vivikanada, 2014).

Kemudian sampel dimasukkan kedalam sumur gel. DNA sampel yang digunakan sebanyak 5 μ l. Kemudian *marker* DNA diletakkan di sumur paling kiri (pertama), selanjutnya diikuti DNA sampel dan kontrol negatif di sumur paling kanan. Pada penelitian ini kontrol negatif yang digunakan adalah *Psidium guajava L*, lalu *Chamber* elektroforesis ditutup rapat. Alat elektroforesis dinyalakan (diberi arus listrik) dengan tegangan 50 Volt

Hasil yang baik ini dipengaruhi oleh beberapa faktor seperti kemurnian DNA hasil ekstraksi, ketepatan pemilihan primer yang digunakan serta ketepatan kondisi reaksi PCR. PCR terbukti sebagai metode yang memadai untuk mendeteksi DNA dalam jumlah yang kecil, khususnya memperkuat wilayah target DNA template dengan cara cepat dan sensitif. Dengan menggunakan primer yang spesifik dan universal, banyak urutan mitokondria misalnya gen *cyt b* (Burgener & HuÈbner, 1998; Matsunaga *et al.*, 1999). DNA yang digunakan untuk reaksi amplifikasi adalah DNA mitokondria yang diisolasi dengan menggunakan *Wizard Genomic Purification System, promega* yang sudah dalam bentuk kit sehingga DNA yang dihasilkan mempunyai kemurnian yang tinggi dan rendahnya kontaminasi DNA dari berbagai macam debris (Lelana *et al.*, 2002)

Ketepatan pemilihan primer juga berpengaruh untuk mendapatkan *limit of detection* dengan konsentrasi yang rendah. Primer yang digunakan telah memenuhi syarat-syarat dalam seleksi primer, seperti terdiri dari 20 basa, kandungan G/C nya 50%, kemungkinan terbentuknya struktur sekunder dalam primer adalah kecil serta 2 basa pada 3 basa terakhir terdiri dari G/C, tidak menunjukkan dimerisasi primer dan spesifisitas tinggi. Primer merupakan bagian penting dalam reaksi amplifikasi DNA karena merupakan inisiator pada sintesis DNA. Ketepatan kondisi pada reaksi PCR merupakan faktor utama dalam menentukan keberhasilan suatu reaksi PCR. Ketepatan kondisi reaksi ditentukan oleh ketepatan campuran reaksi dan ketepatan kondisi suhu pada masing-masing siklus (Lelana *et al.*, 2002).

Gen DNA mitokondria telah sering digunakan menjadi target untuk berbagai tes PCR dalam deteksi spesiasi hewan, tumbuhan, dan sel mikroba. DNA mitokondria memiliki jumlah salinan tinggi dalam sel. Oleh karena itu, memanfaatkan DNA mitokondria sebagai target akan meningkatkan kesempatan untuk mendapatkan hasil DNA yang cukup untuk tes PCR berikutnya terutama ketika menggunakan produk yang diproses atau dipanaskan, yang dapat menyebabkan degradasi DNA genom. Pemeriksaan spesifik PCR spesifik yang menargetkan gen *cyt b* mitokondria yang dikodekan telah banyak dimanfaatkan oleh beberapa peneliti (Aida *et al.*, 2007; Matsunaga *et al.*, 1999).

Sensitivitas yang tinggi pada konsentrasi 10^{-6} pg/ml pada penelitian ini menunjukkan bahwa penelitian ini memiliki prospek yang baik untuk dijadikan acuan dalam mendeteksi produk-produk yang diduga tercemar babi sesuai dengan spesifikasi laboratorium di UIN Sunan Ampel Surabaya sebagai pengujian kehalalan makanan. Untuk melindungi konsumen agar produk yang akan dikonsumsi terjamin kehalalan dan kesuciannya sesuai dengan ajaran syari'ah Islam. Hukum Islam diciptakan untuk mewujudkan kemaslahatan manusia baik di dunia maupun di akhirat. Dasar yang digunakan untuk keharusan mengonsumsi sesuatu yang halal baik makanan, minuman, tumbuhan dan binatang telah tercantum dalam Alquran dan Hadits.

disepakati oleh semua umat Islam. (*Bidayah al-Mujtahid*, jilid I, h. 488; *al-Qawanin al-Fiqhiyyah*, h.34; *al-Mughni*, Jilid I, h. 136; *Mughni al-Muhtaj*, Jilid I, h. 77; *Syarh al-Minhaj*, Jilid I, h. 69)

UIN Sunan Ampel Surabaya sebagai Lembaga Pendidikan berbasis agama Islam seyogyanya dapat memberikan kontribusi nyata sebagai tindakan yang preventif. Dengan mengintegrasikan ilmu pengetahuan secara Ilmiah dan memiliki nilai keislaman, yaitu dengan didirikannya halal center pengujian makanan berbasis molekuler. Menggunakan teknologi biologi molekuler yang terus mengalami perkembangan dan kemajuan yang pesat. LOD yang diperoleh pada penelitian ini memiliki sensitivitas yang tinggi yaitu 10^{-6} pg/ml yang dapat menjadi dasar penentuan dalam melakukan deteksi sampel pada makanan yang diduga mengandung gen babi untuk pengujian kehalalan.

- Cespedes, Ana., Teresa Garcia., Esther Carrera., Isabel Gonzalez., Alicia Fernandez., Pablo E., Hernandez., dan Rosario Martin., 1999. Identification of Sole (*Solea solea*) and Greenland Halibut (*Reinhardtius hippoglossoides*) by PCR Amplification of the 5S rDNA Gene. *Food chem.* 47(3): 1046-1050.
- Dale, Jeremy W. & Malcom von Schantz. 2002 , *From Genes to Genomics: Concepts and Application of DNA Techology*. John Wiley & Sons Ltd, USA.
- Departemen Agama Republik Indonesia. 2001. *Keputusan Menteri Agama Republik Indonesia tentang Pedoman dan Tata Cara Pemeriksaan dan Penetapan Pangan Halal*. Depag RI, Jakarta.
- Dooley, J.J. Kelly,E.P., Stephen, D.G., Helen, M.B. 2004. Detection of meat species using TaqMan real-time PCR assays. *Meat Science*. 68: 431-438.
- Farouk A., MF Batcha., R Griner., HM Salleh., MR Salleh dan AR Sirajudin., 2006. The use of a molecular technique for the detection of porcine ingredients in the Malaysian food market. *Saudi Med J*. 27: 447- 450.
- Gaffar, Shabarni. 2007. *Buku Ajar Bioteknologi Molekul*. Jurusan Kimia, FMIPA UNPAD, Bandung.
- Giles, R.E., H Blanc, H M Cann dan D C Wallace., 1980. Maternal Inheritance of Human Mitochondrial DNA. *Proc. Natl. Acad. SCI. USA*. 77 (11): 6715-6719.
- Han SH., Kang MC., Song JH., Oh JH., Oh YS., dan Oh MY. 2004. Phylogenetic relationship of Korean wild boars based on mitochondrial DNA Cytochrome b gene. di akses pada tanggal 27 Oktober 2017. <<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>>.
- Hutahaean, S., Jamilah dan Saleha, H. 2014. *Penuntun Praktikum Bioteknologi*. Universitas Sumatera Utara, Medan.
- Ibnu Hazm al-Andalusi. TT. *Maratib al-Ijma'* (Dari al-Afaq al- Jadidah) Hal.148.
- Iqbal, M., Ibnu, D.B., dan Nia K. 2016. Analisis perbandingan metode isolasi DNA untuk deteksi white spot syndrome virus (WSSV) pada undang vaname (*Litopenaeus vannamei*). *Jurnal Perikanan Kelautan*. 7 (1): 54-65.
- Kesmen, Z., Yetim, H., & Sahin, F. 2009. *Identification Of different Meat species Used in Sucuk production by pcr Assay*. *Research/Arasturma*. GD0928.

- Kolmodin, L.A. & D.E. Birch. 2002. *Polymerase chain reaction: basic principles and routine practice. PCR Cloning Protocols, 2nd edition.* (Chen, B. & H.W. Janes, Eds.). Humana Press Inc. Totowa, New Jersey.
- Jain, Shally. 2004. *Use of Cytochrome B Generasi Variability In Detecting Meat Species By Multiplex PCR Assay.* Department Of Veterinary Public Health, College Of Veterinary Science & Animal Husbandry, Anand Agricultural University, Anand.
- Langga, I.F., M., Restu, dan Tutik, K. 2012. Optimalisasi Suhu Dan Lama Inkubasi Dalam Ekstraksi Dna Tanaman Bitti (*Vitex Cofassus Reinw*) Serta Analisis Keragaman Genetik Dengan Teknik Rapd-Pcr. *J. Sains & Teknologi.* 12 (3) : 265-276.
- Lekagul, B. & J.A. McNeely. 1977. *Mammals of Thailand.* The Association for the Conservatiin of Wildlife, Bangkok.
- Lelana, N.E., Sutarno, dan Nita, E. 2002. Identifikasi Polimorfisme pada Fragmen ND-5 DNA Mitokondria Sapi Benggala dan Madura dengan Teknik PCR-RFLP. *Biodiversitas.* 4 (1): 1-6.
- Lodish, H., Berk AS., Zipursky L., Matsudaira P., Baltimore D., dan Darnell J., 2000. *Molecular Cell Biology.* W. H. Freeman and Company.
- Margawati, Endang Tri & Muhammad Ridwan. 2010. *Pengujian Pencemaran Daging Babi Pada Beberapa Produk Bakso Dengan Teknologi PCR. Pencarian Sistem Pengujian Efektif.* Pusat Penelitian Bioteknologi LIPI, Bogor.
- Matsunaga T, Chikuni K, Tanabe R, Muroya S, Shibata K, Yamada J, Shinmura Y., 1999. A quick and simple method for the identification of meat species and meat products by PCR assay. *Meat Sci.* 51: 143–148.
- Mayasari, Nura. 2007. *Memilih Makanan Halal.* Qultum Media, Jakarta.
- McGlone, John & Wilson G Pond. 2003. *Pig Reproduction: Biological Principles and Applications.* Thomson Delmar Learning, Texas
- Meng, L., Yang HX., Mao PC., Gao HW., dan Sun FD., 2011. Genetic diversity analysis of *Arrenatherum elasticus* germplasm with inter—simple sequence repeat (ISSR) markers. *Afr.J. Biotechol.* 10(56): 8729-36.
- Muladno. 2010. *Teknologi Rekayasa genetika, Edisi Kedua.* IPB Pres, Bogor.
- Moussaoui. 2007. A Phosphate-Binding Subsite in Bovine pancreatic ribonuclease A can be converted into a very efficient Catalytic Site. *Protein Science.* 16: 99-109.

- Narasimhan N & G Attardi. 1987. Specific requirement for ATP at an early step of in vitro transcription of human mitochondrial DNA. *Sci USA*. 84 (12): 4078-4082.
- Nollet, LML & Toldra F. 2011. *Safety Analysis of Foods of Animal Origin*. CRC Press, New York.
- Prezioso, Vincent & alex jahns 2013, *using gradient PCR to determine the optimum annealing temperature*. Eppendorf Scientific inc, USA
- Primasari, Almira. 2011. Sensitivitas Gen Sitokrom b (Cyt b) Sebagai Marka Spesifik pada Genus Rattus dan Mus untuk Menjamin Keamanan Pangan Produk Asal Daging. *Tesis*. Prodi Ilmu Produksi dan Teknologi Peternakan IPB, Bogor.
- Promega. 2010. *Technical Manual Maxwell[®] 16 DNA Purification Kits*. United States of America. Di akses pada tanggal 28 Mei 2017. <www.promega.com>.
- Raines, R.T. 1998. Ribonuclease A. *Chem. Rev.* 98: 1045-1065.
- Raraswati, A., Triyana K., Triwahyudi., Rahman A. 2012. Differentiation of Bovine and Porcine Gelatins in Soft Candy Based on Amino Acid Profiles and Chemometric. *J. Food Pharm. Sci.* 2 (2014) 1-6.
- Roger, Scott O., & Bendich A. J. 1994. Extraction of total cellular DNA from plants, algae, and fungi. *Plant Molecular Biology Manual*. DI: 1-8.
- Sambrook, J., & Russel, D. W. 2001. *Molecular Cloning. A Laboratory Manual 3rd Edition*. Cold Spring Harbor Laboratory Press, New York.
- Sargent, J.R., & S. G. George. 1975. *Method in Zone Electrophoresis*. BDH Chemical LTD. Poole England.
- Sihotang, L. 2014. Isolasi DNA genom pada darah. Diakses pada tanggal 23 Juni 2018. <<https://laurensihotang.files.wordpress.com/2014/06/isolasi-dna-genom-pada-darah.pdf>>.
- Siregar, Raja Adil. 2017. *Polisi ciduk pengoplos daging sapi dan babi di lubuk lingau*. di akses pada tanggal 27 Mei 2017. <<https://news.detik.com/berita/d-3519736/polisi-ciduk-pengoplos-daging-sapi-dan-babi-di-lubuklinggau>>.
- Solihin, Dedy Duryadi. 1994. *Ulas balik Peran DNA Mitokondria (mtDNA) dalam Studi Keragaman Genetik dan Biologi Populasi pada Hewan*. FMIPA IPB, Bogor.
- Sulistyaningsih, Erma. 2007. *Polymerase Chain Reaction (PCR): Era Baru Diagnosis dan Manajemen Penyakit Infeksi*. Laboratorium Fisiologi Fakultas Kedokteran Universitas Jember, Jember.

- Tenriulo, A., E Suryati, A. parenregi, Rosmiat. 2001. Ekstraksi DAN rumput laut *Kappaphycus allvarezii* dengan metod fenol kloroform. *Marina chimica acta*. 2(2): 6-10.
- Titrawani. 1996. *Biodiversiti Kodok Genus Rana Ditinjau dari morfologi, kariotip dan pola protein di Kodya Swahlunto*. Program Pasca Sarjana ITB, Bogor.
- Vivikananda, E. 2014. Deteksi DNA babi dan DNA sapi dengan menggunakan Metode *insulated Isothermal Polymerase Chain Reaction* (ii-PCR). Skripsi. Program studi Farmasi. UIN Syarif Hidayatulloh, Jakarta.
- Wallace, D.C, Carol Stugard, Deborah Murdock, Theodore Schurr, dan Michael D. Brown., 1997. Ancient mtDNA Squences in the Human Nuclear Genome: A Potential Source of Errors In Identifying Pathogenic Mutation. *Proc. Natl. Acad. SCI. USA*. 95. 14900-14905.
- Weissensteiner, T., Griffin, H.G., Griffin, A. 2004. *PCR Technology Current Innovations, Ed ke-2, Boca Raton*. CRC Press LLC. Florida.
- Widayanti, R. 2006. Kajian penanda genetik gen *Cytochrome b* dan daerah D-Loop pada *Tarsius* sp. *Disertasi*. Sekolah Pascasarjana, Institut Pertanian Bogor, Bogor.
- Yusuf, Z.K. 2010. Polymerase Chain Reaction (PCR). *Saintek*. 5(6): 1-6.
- Yusop M, shuhaimi M., Yaakob B., Che Man, Abdul Rahman O dan Nur Fadilah K.M. 2011. Detection of raw pork targeting porcine-specific mitochondrial Cytochrome B generasi by molecular recon probe real time polymerase chain reaction. *food analysis method*. 5: 422-429.